インド型イネの遺伝的背景で広い窒素栄養濃度域で効率良く根を伸長させるQTL

Identification of QTL for efficient root elongation under a wide range of nitrogen concentrations in a rice variety with an Indica-type genetic background

イネの生産性向上と安定化には、根の機能や形態を改良することが必要である。IR64の遺伝的背景をもつYTH183は熱帯や温帯地域でも高生産性が確認されてきているが、その遺伝要因は不明であった。

インド型イネ品種IR64の遺伝的背景をもつ染色体挿入系統YTH183は根の伸長に関する量的形質遺伝子座(QTL)qRL6.4-YP5を有する。qRL6.4-YP5を有する。qRL6.4-YP5を高までは、qRL6.4-YP5が導入されたことにより窒素栄養濃度の変化に良く対応して総根長が大きくなる。qRL6.4-YP5を識別できるDNAマーカーとNILは、開発途上地域での食料安定生産に寄与する根の形態の改良に活用できる。

Improvement of root architecture required for enhancing stability and production in rice. An introgression line, YTH183, showed stable and higher yield in tropical regions compared with IR64. A major quantitative trait locus (QTL) for elongation, *qRL6.4-YP5*, identified chromosome on and introduced into YTH183. Compared with IR64, total root length was always higher in the near-isogenic line for qRL6.4-YP5 and was enhanced in response to the increase in exogenous concentrations of These achievements should nitrogen. help improve root architecture of rice for a stable and high yielding production system in tropical developing countries.



図1 *qRL6.4-YP5*を有する準同質 遺伝子系統 (NIL) およびYTH183 の幼植物の表現型 5 mMのNH₄Clを与え、水耕法で8 日間栽培。バーは50 mmを示す。

Fig. 1. Typical phenotypes of seedlings grown for 8 days in 5 μ M NH₄Cl. YTH183 and near-isogenic line (NIL) have positive allele of *qRL6.4-YP5*. Scale bar in individual pictures indicates

50 mm.

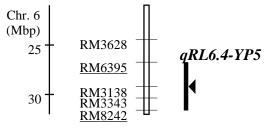


図2 第6染色体長腕に検出された根の伸長に関わるQTL(*qRL6.4-YP5*)の座乗位置

■はF値のピークを示し、■は*qRL6.4-YP5*の存在領域を示す。DNAマーカーの日本晴塩基配列上での位置を示す。

Fig. 2. Physical position of qRL6.4-YP5 on the long-arm region of chromosome 6.

Closed vertical column indicates candidate region for qRL6.4-YP5. Closed triangle indicates the position of the peak F score.

表 1 qRL6.4-YP5をIR64の遺伝的背景に導入したNILの異なる窒素濃度における根の伸長・形成に関する反応

Table 1. Elongation and development of roots in NIL for qRL6.4-YP5 under a wide range of nitrogen concentrations

Traits	Variet - y•line	Nitrogen concentration				
		0 μ		5 μ	50 μ	500 μ
		M		M	M	M
Total root length	IR64	643		742	907	1108
(mm)	NIL	801	**	864 **	1080 **	1276 **
Length of longest	IR64	121		128	137	114
root (mm)	NIL	145	**	158 **	161 **	140 **
Root number	IR64	7.6		8.0	11.0	16.6
(plant ⁻¹)	NIL	8.0		7.8	10.6	15.6

Plants were grown for 8 days. NH_4Cl was the sole nitrogen source. Asterisks (**) represent a significant difference between IR64 and NIL at P-value of 1% level (one-way ANOVA).

国立研究開発法人 国際農林水産業研究センター

〒305-8686 つくば市大わし1-1

http://www.jircas.affrc.go.jp/index.sjis.html

Japan International Research Center for Agricultural Sciences