3. 高等植物から得られた乾燥誘導性遺伝子群の構造と機能

[要約] モデル植物のシロイヌナズナ及び耐干性マメ科作物の<u>ササゲ</u>から,前者では乾燥後短時間に誘導される16種の<u>遺伝子</u>,後者では乾燥により誘導される10種の<u>遺伝子</u>を単離した。これらの遺伝子の全塩基配列を決定した結果,<u>乾燥耐性</u>の獲得に関与すると考えられる種々のタンパク質との相同性が見いだされた。

国際農林水産業研究センター 生物資源部							連絡先	0298 (38) 6305	
部会名	国際農業	Ī	専門	バイテク	対象	豆類		分類	研究

「背景・ねらい」

乾燥耐性作物の作出は、乾燥地帯での農業生産の向上、安定化のための重要な課題である。乾燥耐性作物の分子育種のためには、植物の乾燥耐性の獲得に働く遺伝子の解明が必要となる。そのため、遺伝子解析の進んでいるモデル植物であるシロイヌナズナと西アフリカの乾燥地帯で栽培されている耐干性のマメ科作物であるササゲを用い、乾燥によって誘導される遺伝子群を単離して、その構造と機能を解析する。

「研究の内容・特徴]

- ① 濾紙上で風乾したシロイヌナズナでは、植物ホルモンのアブシジン酸(ABA)の合成は約2時間後に起こり、10時間後に最大に達した。そこで ABA による2次的な遺伝子発現がまだ見られない乾燥1時間後の植物を用いてcDNAライブラリーを作成した。
- ② このcDNA ライブラリーを用いて、短時間に誘導される16種の遺伝子を単離し、ERD と名付けた。ERD の発現をノーザン法で解析すると、ABA が合成される前の1時間の乾燥によって、すべての ERD が誘導された。
- ③ ERD の塩基配列を決定し、データベースとの照合から、乾燥耐性の獲得に関与すると考えられる種々のタンパク質との相同性が見いだされた(図1)。
- ④ 乾燥状態のササゲ(乾燥10時間後)から、乾燥によって誘導される10種類の遺伝子を単離し、 CPRD と名付けた。ノーザン法を用いて、これらの遺伝子がすべて乾燥によって誘導されることを示した(図2)。また、ABA で誘導されるものと ABA によっては誘導されないものとが存在することを示した(表1)。
- ⑤ すべての CPRD の塩基配列を決定し、データベースとの照合を行った。その結果、シロイヌ ナズナで得られた cDNA と相同性を持つものや、これまで他の植物では報告されていない遺伝 子が含まれていることを明らかにした(表 1)。

[成果の活用面・留意]

シロイヌナズナとササゲから得られた乾燥誘導性遺伝子群は、これまでに開発してきた乾燥誘導性のプロモーターと結合して植物体に導入し、乾燥時に特異的に過剰発現させることにより、乾燥耐性植物の分子育種に利用できる。

[具体的データ]

図1:シロシヌナズナの乾燥 によって誘導される遺 伝子の機能

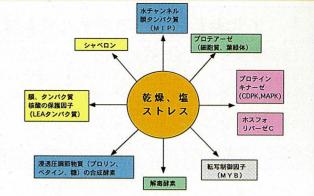


図 2 : カウピーの CPRD 遺 伝子の乾燥による発現 誘導のノーザン法によ る解析

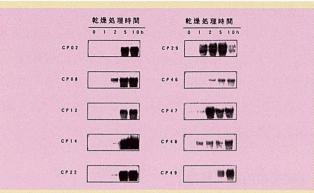


表1:ディファレンシャルスクリーニング法で得られたカウピーの乾燥誘導性の遺伝子

クローン名		インサート長 (bp)	個数1)	相同性のあった遺伝子	各処理に対する誘導性		
				相同性のあった風伝丁	ABA	NaC1	Cold
1	CP02	1684	8	berberine bridge enzyme	+	+	
2	CP08	1515	1	old yellow enzyme	+	+	-
3	CP12	1082	1	alcohol dehydrogenase	+	+ /10	
4	CP14	1227	7	dihydroflavonol 4-reductase	+	+	
(5)	CP22	1129	2	dehydrine	+	+	nnik <u>—</u> —-
6	CP29	1808	1				
7	CP46	2882	1	lipoxygenase			
8	CP47	1343	1				-
9	CP48	647	1	B2 protein	+	+	-
10	CP49	666	1				_

- 1) 個数は今回のスクリーニングによって取られた数を示す。
- 2) ○はシロイヌナズナで得られた cDNA と相同性をもつ遺伝子。

「その他」

研究課題名:カウピーの乾燥ストレス誘導性遺伝子の単離と解析

予算区分:バイテク育種

研究期間:平成6年度(平成5~9年度)

研究担当者: 篠崎和子, 寺尾富夫

発表論文等:

- 1. Characterization of an Arabidopsis cDNA for a soluble epoxide hydrolase gene that is inducible by auxin and water stress, Plant Journal, 6: p. 259-269. 1994.
- 2. Cloning of cDNA for genes that are early-responsive to dehydration stress (ERDs) in Arabidopsis thaliana L.: identification of three ERDs as HSP cognate genes, Plant Mol. Biol., 25: p. 791-798, 1994.
- 3. Function and regulation of gene that are induced by dehydration stress in Arabidopsis thaliana, JIRCAS J., 1: p. 69-79, 1994.